

# *Staphylococcus aureus* RESISTENTES A LA METICILINA EN CERDOS POSDESTETE

Giacoboni GI<sup>1</sup>, Nievas H<sup>1</sup>, Pérez E<sup>2</sup>, Nievas VF<sup>2</sup>, Moredo FA<sup>3</sup>

<sup>1</sup>LaByAn. Facultad de Ciencias Veterinarias, La Plata, Buenos Aires, Argentina.

<sup>2</sup>Laboratorio Microvet, General Madariaga, Buenos Aires

## INTRODUCCIÓN

*Staphylococcus aureus* con resistencia a la meticilina (SARM) es un patógeno zoonótico emergente y una de las principales causas de infecciones hospitalarias (HA-SARM) y de la comunidad (CA-SARM) en humanos. En los animales, empezó a considerarse cuando se identificó la línea genética ST398 en cerdos, sumándose una nueva categoría LA-SARM (Livestock- Associated SARM). La resistencia a la meticilina, implica resistencia a la mayoría de los antimicrobianos beta-lactámicos y se asocia a resistencia frente a otras familias de antibióticos. En nuestro país, se aislaron SARM del complejo clonal 1 (CC1) asociado a infecciones humanas, a partir de hisopados de fosas nasales de cerdos de 154 días de vida

## OBJETIVO

El objetivo de este trabajo fue continuar con la pesquisa de SARM en esta especie doméstica que por su sistema de cría tiene estrecho contacto con el hombre.

## MATERIALES & MÉTODOS

- Se procesaron 8 hisopados nasales de cerdos de 27 días de vida procedentes de una granja de cría intensiva de la Pcia. Santa Fé.
- Se sembraron en caldo tripticosa soya (pre-enriquecimiento) adicionado con 6,5 % de ClNa y se incubaron durante 12 horas a 37° C. Los cultivos se repicaron en CHROMagar™ MRSA®, aumentando el tiempo de incubación a 24 horas.
- La caracterización fenotípica se realizó con las pruebas bioquímicas convencionales.
- La sensibilidad a los antimicrobianos se determinó con el método de difusión en agar; los puntos de corte del CLSI M100-ed30.
- Para la caracterización genotípica, se utilizó el protocolo PCR para detección del gen *mecA*, elaborado por el Servicio de Antimicrobianos-INEI-ANLIS.

## RESULTADOS

- Se obtuvieron 4 SARM (4/8), resistentes a eritromicina, clindamicina, tetraciclina, ciprofloxacina y cloranfenicol; sensibles a gentamicina, nitrofurantoína, rifampicina y linezolid.
- En los 4 SARM se detectó el gen *mec A*.

## CONCLUSIONES

- La presencia de SARM en cerdos, alerta sobre su posible transferencia al personal de las granjas de cría intensiva debido al estrecho contacto con los animales.
- Se destaca la emergencia en cerdos, de SARM multirresistentes.

