


TUBERCULOSIS EN GATOS DOMÉSTICOS DE LA PROVINCIA DE SANTA FE, ARGENTINA

Marfil, MJ¹, Borrás, P², Bagattin L³, Marini MR³, Spadaro M⁴, Yaafar N⁵, Sarradel J⁴, Canal A³, Martínez Vivot M¹, Barandiarán S¹

(1) Universidad de Buenos Aires, Facultad de Ciencias Veterinarias, Buenos Aires, Argentina. (2) Servicio de enfermedades infecciosas y parasitarias, Clínica Veterinaria Panda, CABA, Argentina. (3) Cátedra de Patología Veterinaria, Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Nacional del Litoral, Santa Fe, Argentina. (4) Cátedra de Patología General y Especial Veterinaria, Facultad de Cs. Veterinarias, Universidad Nacional de Rosario, Santa Fe, Argentina. (5) Clínica de Animales de Compañía, Facultad de Cs. Veterinarias, Universidad Nacional de Rosario, Santa Fe, Argentina

 jmarfil@fvvet.uba.ar

INTRODUCCIÓN

La tuberculosis en felinos es causada principalmente por *Mycobacterium bovis*, micobacteria zoonótica con un amplio rango de hospedadores susceptibles. La provincia de Santa Fe, principal cuenca lechera del país cuenta con la mayor cantidad de casos de Tuberculosis zoonótica y animal. La tuberculosis animal es cada vez más reportada en otras especies diferentes a los bovinos. Un claro ejemplo son los recientes reportes en felinos domésticos. La transmisión en los felinos puede ser tanto aerógena (entre gatos o por contacto con otros animales infectados) como digestiva (más común en felinos urbanos, por consumo de vísceras contaminadas).

OBJETIVO

Documentar casos de *M. bovis* en felinos de la provincia de Santa Fe, Argentina y describir los diferentes genotipos presentes en esta población.

MATERIALES & MÉTODOS

- Se estudiaron 7 casos de felinos de 2 zonas de la Provincia de Santa Fe (Casilda y Santa Fe). Dos rurales que convivían con aves y bovinos, y 5 eran urbanos.
- Cultivo bacteriológico: Medio de Stonebrink y Löwenstein Jensen.
- Ziehl Neelsen: de las colonias desarrolladas para confirmar presencia de micobacterias.
- Confirmación y tipificación por técnicas moleculares: Amplificación del gen que codifica para la proteína de shock térmico *hsp65* (detección de género *Mycobacterium*). Identificación de la pertenencia al complejo *Mycobacterium tuberculosis* (CMT) y complejo *Mycobacterium avium* (CMA) amplificando las secuencias de inserción **6110** y **1245** respectivamente.
- Micobacterias del CMT fueron posteriormente genotipificadas por Spoligotyping.

RESULTADOS

Foto 1: A. Cultivos con crecimiento. B. Tinción de Ziehl Neelsen con bacilos ácido-alcohol resistentes (positivos). C. Gel de agarosa al 2% mostrando bandas positivas (I) *hsp65*; (II) IS-6110; (III) IS-1245.

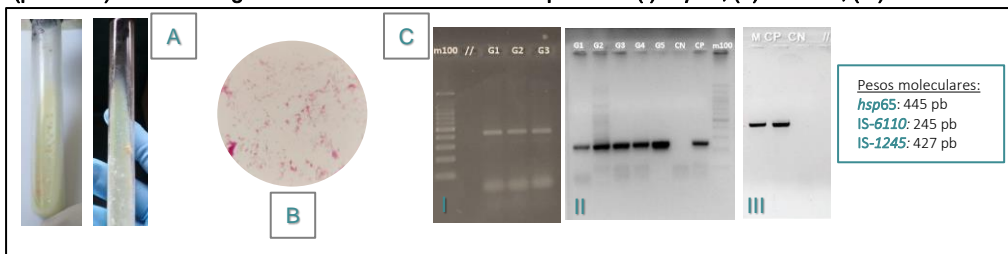


Foto 2: Spoligotipos detectados.



Resumen de resultados

- Se detectaron micobacterias en todas las muestras procesadas.
- Se identificó *M. bovis* en 6 animales.
- Se detectó coinfección de *M. bovis* con micobacterias del CMA en 1 caso.
- En otro felino, cuya lesión era compatible con tuberculosis, se detectó una micobacteria no tuberculosa ambiental (gro. *Mycobacterium*).

CONCLUSIONES

- 1 La tuberculosis en felinos debe ser sospechada por los veterinarios y correctamente confirmada e identificada mediante bacteriología y genotipificación, debido al riesgo que implica esta importante zoonosis.
- 2 Los genotipos detectados son los mismos a los identificados en bovinos de la zona, sugiriendo un rol importante en la transmisión de tuberculosis animal hacia los felinos.