

DETERMINACIÓN DE LA RELACIÓN CLONAL ENTRE SALMONELAS AISLADAS DE GRANJAS CON TIFOSIS AVIAR Y SALMONELAS PROVENIENTES DE PACIENTES HUMANOS MEDIANTE PFGE

Soria, MA¹; Galli, L^{2,3} Londero, A^{2,3} Bueno, DJ¹

(1) INTA-Estación Experimental Agropecuaria Concepción del Uruguay- Entre Ríos- CP 3260. (2) Facultad de Ciencias Veterinarias, La Plata, Buenos Aires. (3) Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET)
Correo electrónico: soria.mario@inta.gov.ar

INTRODUCCIÓN

La tifosis aviar (TA), es producida por *Salmonella enterica* subespecie *enterica* serovar Gallinarum biovar Gallinarum (SG) la cual es una enfermedad septicémica específica de aves adultas. Los brotes de TA usualmente comienzan con una fuerte disminución del consumo de alimento, y de la producción de huevos y por otro lado, la tasa de mortalidad en la TA aguda es elevada. Las técnicas de subtipificación molecular, como la electroforesis en Gel de Campo Pulsado (PFGE, por sus siglas en inglés), permiten establecer la relación clonal de aislamientos obtenidos de distintos orígenes.

OBJETIVO/S

Determinar mediante PFGE los patrones de clonalidad entre cepas de *Salmonella* ser. Gallinarum biovar Gallinarum (SG), aisladas en granjas con brotes de tifosis aviar (GBTA) de aves de postura y una cepa vacunal de SG, y, determinar los patrones de clonalidad dentro las serovariedades *S. ser. Enteritidis* (SE), *S. ser. Schwarzengrund* (SSch) y *S. ser. Livingstone* (SL) provenientes de pacientes humanos, ambiente hospitalario y de GBTA.

MATERIALES & MÉTODOS

1- **Número de cepas:** Se analizaron 48 cepas de SG aisladas de GBTA ocurridos en las provincias de Entre Ríos (33), Santa Fe (8), Tucumán (2), Jujuy (2), Mendoza (2), Buenos Aires (1) y la cepa vacunal SG 9R. Por otro lado, se analizaron 12 cepas de *Salmonella* móviles, de las cuales, 5 cepas fueron aisladas de GBTA y 7 cepas fueron aisladas de pacientes humanos y/o ambiente hospitalario.

2- **Técnica de PFGE:** se realizó utilizando el protocolo de la red PulseNet estandarizado para *E. coli* O157:H7, *E. coli* no-O157, *Salmonella* sp., *Shigella sonnei* y *Shigella flexneri*.

RESULTADOS

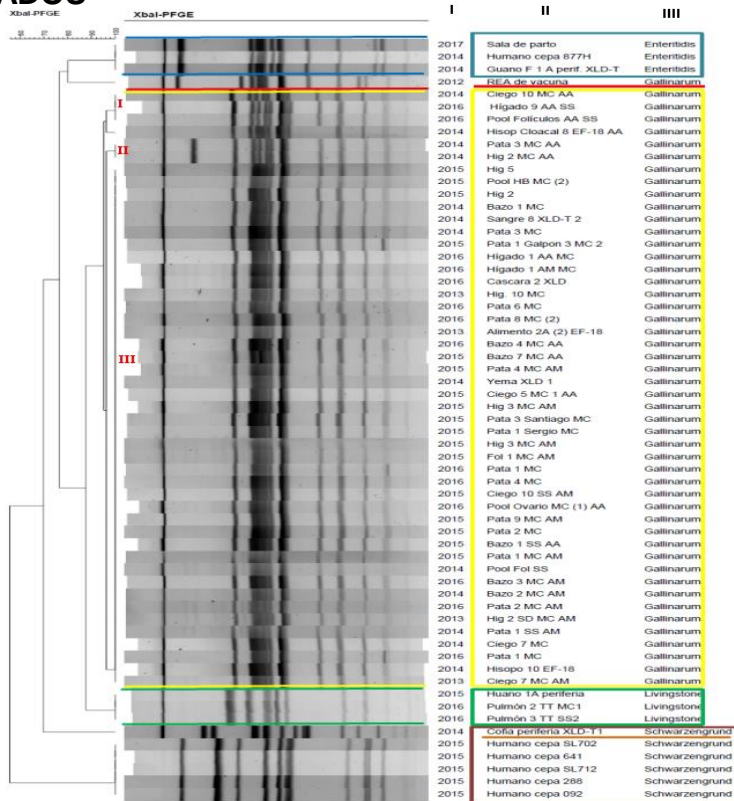


Figura 1: Dendrograma de la relación genética entre aislamientos de SG (amarillo) y *Salmonella* móviles. Subrayado en rojo cepa vacunal SG 9R. Grupo I; II; III para SG. I: año de aislamiento. II: origen del aislamiento III: Serovariedad o biovar de *Salmonella*.

CONCLUSIONES

1- La técnica de PFGE permite diferenciar la cepa vacunal 9R de los cepas de SG obtenidos de GBTA.

2- Puede existir una relación clonal de otros serovares de *Salmonella* sp. entre los aislamientos de GBTA y los de pacientes humanos y ambientes hospitalarios. Esto representa una alerta para maximizar los cuidados en la crianza de las aves de postura para disminuir el impacto de serovariedades zoonóticas en salud pública.